

nilai *bootstrap* 99%. Hubungan kekerabatan yang paling jauh terjadi antara kelompok *C. limpok* dengan kelompok *C. minor* dan *C. bicirrhis*.

VI. KESIMPULAN DAN SARAN

Kesimpulan :

1. Gen sitokrom-b parsial DNA mitokondria *Cryptopterus* spp. yang teramplifikasi dengan primer L14841 dan H15149 adalah sepanjang 373 pb.
2. Hasil penjajaran berganda gen sitokrom-b parsial *Cryptopterus* spp. dengan *Cryptopterus* (*GenBank*) adalah 159 nukleotida yang ditranslasikan menjadi 53 asam amino, dengan 39 situs nukleotida beragam.
3. Rata-rata komposisi nukleotida A+T lebih banyak frekwensinya (54,8%) daripada rata-rata G+C (45,2%) pada gen sitokrom b parsial *Cryptopterus* spp.
4. Komposisi nukleotida yang mempunyai keragaman terbesar dari keseluruhan triplet kodon gen sitokrom-b parsial *Cryptopterus* spp. terletak pada nukleotida ketiga.
5. Situs asam amino non sinonimus pada gen sitokrom-b parsial *Cryptopterus* spp. terletak pada situs ke 80 dan 81.
6. Substitusi transisi lebih banyak terjadi (rata-rata 11 nukleotida) dibandingkan substitusi transversi (rata-rata 5 nukleotida) pada gen sitokrom-b parsial *Cryptopterus* spp.
7. Jarak genetik berdasarkan nukleotida antara *C. limpok* (*GenBank*) dengan *C. minor* (*GenBank*); antara *C. macrocephalus* (*GenBank*) dan *C. schilbeides* (*GenBank*) dengan *C. minor* (*GenBank*) dan *C. bicirrhis* (*GenBank*); mempunyai nilai paling besar (17%), sedangkan jarak genetik paling kecil (1%) terjadi antara *C. limpok* Kampar dengan *C. limpok* (*GenBank*); antara *C. limpok* Indragiri dengan *C. limpok* Kampar; dan antara *C. apogon* Indragiri dengan *C. apogon* Kampar.
8. Hubungan kekerabatan antara ikan lais *C. limpok* Kampar, *C. limpok* Indragiri dan *C. limpok* (*GenBank*) membentuk 1 kelompok dengan nilai *bootstrap* 80%. Hubungan kekerabatan antara ikan lais *C. apogon* Kampar dan *C. apogon* Indragiri membentuk 1 kelompok dengan nilai *bootstrap* 99%.