

BAB V

KESIMPULAN DAN SARAN

5.1. Kesimpulan

Dari hasil analisis molekuler yang dilakukan dapat disimpulkan bahwa fragmen gen penyandi protein E6 HPV tipe 16 dari penderita Karsinoma serviks di RSUP Dr. Sardjito Yogyakarta periode Oktober 2007-Februari 2008 dapat diamplifikasi menggunakan primer spesifik yang telah dipublikasi dan berhasil dilakukan sekuensing menggunakan primer tersebut sehingga dapat diketahui susunan urutan nukleotidanya. Penelitian ini juga dapat mendeteksi adanya variasi urutan nukleotida gena penyandi protein E6 yang menyebabkan terjadinya perubahan susunan asam amino protein E6 tersebut. Dijumpai sebanyak 13 nukleotida yang berbeda pada seluruh sekuen protein E6 isolat Yogyakarta dibandingkan protein E6 yang menjadi referensi dari *gene bank* yaitu T109C, C116A, G124A, G132T, C143G, A144G, A276G, T286A, A289G, C335T, A403G, G489C, G491T.

5.2 Saran

1. Perlu dilakukan penelitian lebih lanjut dengan jumlah sampel lebih besar terhadap variasi-variasi urutan nukleotida lain yang mungkin timbul di Indonesia, terutama daerah Yogyakarta
2. Perlu dilakukan analisis lebih lanjut mengenai hubungan antara polimorfisme yang terjadi dengan perjalanan penyakit (stadium dan tingkat keparahan penyakit).
3. Perlu dilakukan penelitian lebih lanjut antara variasi urutan nukleotida pada protein E6 dalam kaitannya dengan aktivitas telomerase